



ANÁLISE NUTRIGENÉTICA

Avalia a relação dos seus genes à ingestão de diferentes alimentos.



DETALHES DA ANÁLISE

O estudo do perfil nutrigenético é baseado na tecnologia de Sequenciamento de Nova Geração, que avalia até 169 variantes no genoma em 107 genes diferentes, com a finalidade de verificar os efeitos das diferenças genotípicas perante seu estilo de vida, vinculados à dieta e ao comportamento. Com esta análise, o seu consultor médico ou nutricionista poderá elaborar uma estratégia nutricional e de lifestyle personalizada para melhorar a sua qualidade de vida e para atingir as suas expectativas pessoais. A análise nutrigenética foi desenvolvida no contexto atual da nutrição baseada em evidências, com fundamentação em guidelines internacionais e estudos inovadores e disruptivos de SNPs da população brasileira.

LISTA DE GENES

A

ACE
ACVR1C
ADD1
ADIPOQ
ADRB1
ADRB2
AHR
ALPL
ANGPTL4
ANK3
ANKK1
APOA1
APOA2
APOA5
APOB
APOC3
APOE

B / C

BCMO1
BCO1
BDNF
CAT
CBS
CD36
CETP
CLCNKA
CLOCK
CLTCL1
CNR1
COMT
CRY1
CRY2
CYP1A1
CYP1A2
CYP2R1

D / F / G / H

DAO
DRD2
FABP2
FADS1
FGF21
FTO
FUT2
GC
GHSR
GPX1
GRB14
GRK4
HFE
HLA-DQA1
HLA-DQB1
HLA-DRA
HNF4A
HTR2A

I / K / L / M

IL12A-AS1
IL6
IRS1
KNG1
LDLR
LEPR
LIPC
LPL
LYPLAL1-AS1
MACF1
MAOA
MC4R
MCM6
MLXIPL
MMAA
MSRA
MTHFR
MTNR1B
MTR
MTRR

N / O / P / Q

NADSYN1
NBPF3
NQO1
NR1D1
OPRM1
PAM
PAX4
PCSK1
PCSK7
PEMT
PER2
PLXND1
PPARD
PPARG
PPARGC1A
PPARGC1B
PPM1K-DT
PROX1
QPCTL

R / S / T / V

RAPGEF3
RREB1
SH2B3
SIRT1
SLC23A1
SLC23A2
SLC2A2 (GLUT2)
SLC30A8
SOD2
TAS1R2
TCF7L2
TCN2
TFAP2B
TMPRSS6
TXN
VDR



LAUDO DA
ANÁLISE NUTRIGENÉTICA

NOME DO PACIENTE

NOME DO PACIENTE:

Sexo do Paciente:

Data de Nascimento:

Solicitante:

Realizado por

INSIDE DIAGNÓSTICOS S.A.

Tecnologia: Sequenciamento de nova geração

Material de coleta: Mucosa oral (swab)

Protocolo:

Coleta realizada em:

Amostra recebida em:

Resultado liberado em:



FICHA CLÍNICA

1. GERAL

Peso (kg): **48.6.**

Altura (cm): **159.**

Sexo: **Feminino.**

2. TERAPIAS E DIETAS

Faz uso de suplementos ou vitaminas? **Sim** Descrição: **WHEY,OMEGA3,DHEA,COQ10,PROBIOTICO**

3. ESTADO DE SAÚDE

4. HÁBITOS E ROTINAS

Pratica atividades físicas? **Sim** Vezes por semana: **7** Tipo de atividade física: **MUSCULAÇÃO E CARDIO**

AS INFORMAÇÕES CONTIDAS NESTA SEÇÃO SÃO DE RESPONSABILIDADE DO CLIENTE.

INSIDE DIAGNÓSTICOS, PESQUISA E DESENVOLVIMENTO S.A.

CNPJ: 29.886.415/0001-96
COV SA: 355.060.801-864-00.5235-1-8

CNES: 9684956
CCM: 59189681

RESPONSÁVEL TÉCNICA: NOME TÉCNICO RESPONSÁVEL - CRF: 000.000

Os valores predi. dos exames devem ser relacionados com os dados clínicos do paciente e devem ser analisados pelo médico responsável em conjunto com a história clínica do paciente.

NOME DO PACIENTE:

Sexo do Paciente:

Data de Nascimento:

Solicitante:

Realizado por
INSIDE DIAGNÓSTICOS S.A.

Tecnologia: Sequenciamento de nova geração
Material de coleta: Mucosa oral (swab)
Protocolo:

Coleta realizada em:
Amostra recebida em:
Resultado liberado em:



RESULTADO CONSOLIDADO



GESTÃO DE PESO

ACVR1C, ADIPOQ, ADRB2, ANGPTL4, APOA1, CLOCK, FTO, KNG1, LYPLAL1-AS1, MLXIPL, NR1D1, PER2, PLXND1, PPM1K-DT, RAPGEF3, RREB1, TXN



METABOLISMO

ADIPOQ, ADRB2, ALPL, APOA1, APOB, BCMO1, BCO1, CETP, CLTCL1, CRY2, FTO, FUT2, HFE, HLA-DRA, IL12A-AS1, IL6, IRS1, LDLR, LEPR, LYPLAL1-AS1, MCM6, MMAB, MTRR, NADSYN, NBPF3, PAM, PCSK7, PEMT, PPARG, PPARC, PPM1K-DT, PROX1, QPCTL, SH2B3, SLC23A1, SLC23A2, SLC30A8, TCF7L2, TCN2, TMPRSS6, VDR



HIPERTENSÃO

CYP1A1, GRK4



ESTRESSE OXIDATIVO

CAT, SOD2



SAÚDE E COMPORTAMENTO

ADRB2, AHR, APOE, BDNF, CD36, CLOCK, COMT, CRY1, CYP1A1, CYP1A2, DAO, DRD2, FADS1, FGF21, MAOA, NR1D1, OPRM1, PCSK7, SLC2A2, TAS1R2, TXN

NOME DO PACIENTE:

Sexo do Paciente:

Data de Nascimento:

Solicitante:

Realizado por
INSIDE DIAGNÓSTICOS S.A.

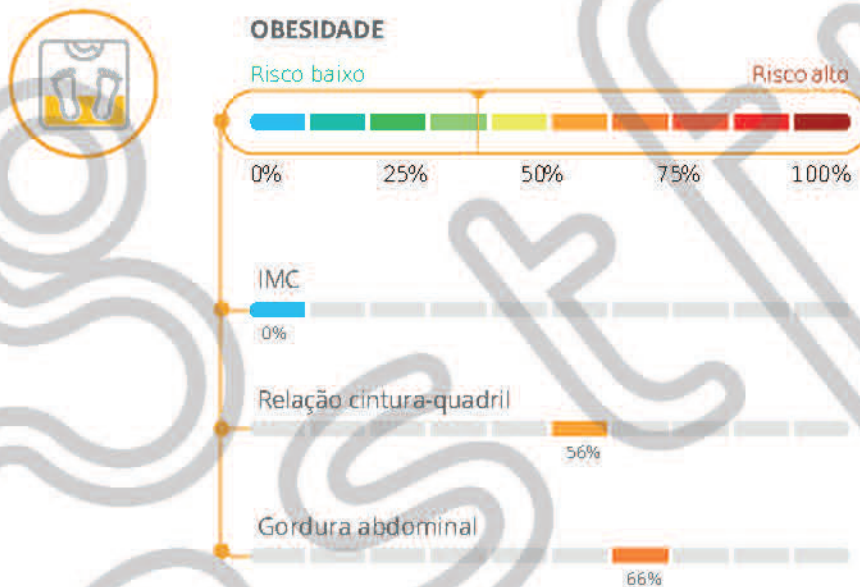
Tecnologia: Sequenciamento de nova geração
Material de coleta: Mucosa oral (swab)
Protocolo:

Coleta realizada em:
Amostra recebida em:
Resultado liberado em:



1 GESTÃO DE PESO

A obesidade e o excesso de peso são fatores importantes para a relação saúde-doença das pessoas. A compreensão da interação gene-dieta, estilo de vida, padrões alimentares, sedentarismo, fatores socioeconômicos e ambientais é fundamental para o sucesso de intervenções terapêuticas em busca da melhoria da qualidade de vida. A Gestão do Peso é de suma importância para uma vida mais saudável, com equilíbrio corporal e ajuste da ingestão calórica e gasto energético. Para um melhor manejo da Gestão do Peso, consideramos alguns marcadores de risco para o Índice de Massa Corporal (IMC), a Relação Cintura-Quadril, a Gordura Abdominal e a Obesidade.



Gene	Variante	Alelo de impacto	Resultado
ADIPOQ	rs266717	T	CT
APOA1	rs670	C	CT
CLOCK	rs1554483	G	GG
CLOCK	rs4864548	A	AA
FTO	rs1121980	A	AG
FTO	rs1421085	C	CT
FTO	rs8050136	A	AC
FTO	rs9939609	A	AT
KNG1	rs1851665	A	AA
NR1D1	rs2314339	C	CT

INSIDE DIAGNÓSTICOS, PESQUISA E DESENVOLVIMENTO S.A.

CNPJ: 29.886.415/0001-96
COV SA: 355.050.801-864-00.5235-1-8

CNES: 9684956
CCM: 59189681

RESPONSÁVEL TÉCNICA: NOME TÉCNICO RESPONSÁVEL - CRF: 000.000

Os valores predi. dos exames devem ser relacionados com os dados clínicos do paciente e devem ser analisados pelo médico responsável em conjunto com a história clínica do paciente.



NOME DO PACIENTE:

Sexo do Paciente:

Data de Nascimento:

Solicitante:

Realizado por
INSIDE DIAGNÓSTICOS S.A.

Tecnologia: Sequenciamento de nova geração
Material de coleta: Mucosa oral (swab)
Protocolo:

Coleta realizada em:
Amostra recebida em:
Resultado liberado em:

Gene	Variante	Alelo de impacto	Resultado
PER2	rs2304672	G	CG
PPM1K-DT	rs1440581	C	CT
ADRB2	rs1042714	G	CG
FTO	rs1558902	A	AT
ACVR1C	rs55920843	T	TT
ANGPTL4	rs116843064	G	GG
LYPLAL1-AS1	rs2605100	G	GG
MLXIPL	rs3812316	C	CC
PLXND1	rs2625973	A	AC
RAPGEF3	rs145878042	A	AA
RREB1	rs1334576	A	AA
LYPLAL1-AS1	rs2605100	G	GG
TXN	rs2301241	A	AA

INSIDE DIAGNÓSTICOS, PESQUISA E DESENVOLVIMENTO S.A.

CNPJ: 29.886.415/0001-96
COV SA: 355.050.801-864-00.5235-1-8

CNES: 9684956
CCM: 59189681

RESPONSÁVEL TÉCNICA: NOME TÉCNICO RESPONSÁVEL - CRF: 000.000

Os valores predi. dos exames devem ser relacionados com os dados clínicos do paciente e devem ser analisados pelo médico responsável em conjunto com a história clínica do paciente.

NOME DO PACIENTE:

Sexo do Paciente:

Data de Nascimento:

Solicitante:

Realizado por
INSIDE DIAGNÓSTICOS S.A.

Tecnologia: Sequenciamento de nova geração
Material de coleta: Mucosa oral (swab)
Protocolo:

Coleta realizada em:
Amostra recebida em:
Resultado liberado em:



Interpretando o resultado

O estudo do seu perfil genético revelou variantes importantes relacionadas com metabolismo. Este resultado pode não se relacionar com suas características físicas ou não ser relevante para a sua modulação.

1. ALTERAÇÃO DAS CONCENTRAÇÕES DE VITAMINAS E MINERAIS

1.1. VITAMINA A

BCMO1, rs11645428:

O gene BCMO1 codifica uma enzima fundamental no metabolismo do betacaroteno em vitamina A, sendo este metabolismo importante para processos vitais como visão, desenvolvimento embrionário, diferenciação celular e proteção da membrana e da pele. Assim essa enzima catalisa a clivagem oxidativa do betacaroteno em duas moléculas de retinal, atuando principalmente no epitélio do intestinal e no fígado. No entanto a eficiência de conversão do betacaroteno durante a absorção é altamente variável entre indivíduos e alterações nesse gene podem determinar esta variabilidade, podendo estar relacionada com hipercarotenemia ou deficiência de vitamina A. Assim um estudo identificou que indivíduos com o alelo G da variante rs11645428 em homozigose apresentaram uma diminuição de 51 % na eficiência de conversão do betacaroteno quando comparados com os indivíduos com o alelo A em homozigose, além de concentrações mais altas de betacaroteno em jejum (PMID: 22113863, 19185284).

BCMO1, rs6420424:

O gene BCMO1 codifica uma enzima fundamental no metabolismo do betacaroteno em vitamina A, sendo este metabolismo importante para processos vitais como visão, desenvolvimento embrionário, diferenciação celular e proteção da membrana e da pele. Assim essa enzima catalisa a clivagem oxidativa do betacaroteno em duas moléculas de retinal, atuando principalmente no epitélio do intestinal e no fígado. No entanto a eficiência de conversão do betacaroteno durante a absorção é altamente variável entre indivíduos e alterações nesse gene podem determinar esta variabilidade, podendo estar relacionada com hipercarotenemia ou deficiência de vitamina A. Assim um estudo identificou que indivíduos com o alelo A da variante rs6420424 em homozigose, próxima ao gene BCMO1, apresentaram uma redução na eficiência de conversão do betacaroteno em até 59 % quando comparados com os indivíduos com o alelo G em homozigose, além de concentrações mais altas de betacaroteno em jejum (PMID: 22113863, 19185284).

TESTES

Todos os direitos reservados. Proibida a reprodução total ou parcial.