



ANÁLISE DE  
**MICROBIOMA  
FEMININO**

Sequenciamento de Nova Geração  
Bactérias + Fungos



## Detalhes da análise

A análise de Sequenciamento do Microbioma Feminino Bactérias + Fungos é uma poderosa ferramenta para a identificação da microbiota bacteriana e fúngica presente na sua vagina.

Com a tecnologia de Sequenciamento de Nova Geração (NGS - Next Generation Sequence), é possível realizar a detecção de microrganismos comuns e benignos que habitam a cavidade vaginal e, ao mesmo tempo, mapear bactérias e fungos patogênicos causadores de doenças e de desequilíbrio desta microbiota. Além disso, a análise de Sequenciamento do Microbioma Feminino Bactérias + Fungos permite avaliar as proporções populacionais dos microrganismos, revelando desequilíbrios que podem gerar desconfortos e alterações clínicas importantes.

Dessa maneira, esta análise poderá auxiliar o seu consultor de saúde a elaborar uma estratégia personalizada visando um manejo adequado e um estilo de vida saudável, possibilitando também a realização de prevenções mais direcionadas e o tratamento de doenças específicas.



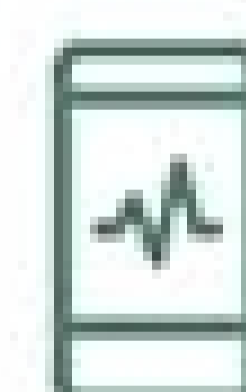
PREVINA  
DOENÇA



ENTENDA SEU  
ORGANISMO



PERSONALIZE SUA  
ALIMENTAÇÃO



OBTENHA DIA GNÓSTICOS  
MAIS PRECISOS





LAUDO DA ANÁLISE DE  
MICROBIOMA FEMININO

**NOME DO PACIENTE**

**Nome do paciente:**

**Sexo do paciente:**

**Data de nascimento:** 00/00/0000

**Solicitante:** Não informado

**Unidade de análise:** Inside Central

**Tecnologia:** Seq. de Nova Geração 16S + ITS

**Material de coleta:** Mucosa vaginal

**Coleta realizada em:** 00/00/0000

**Amostra recebida em:** 00/00/0000

**Resultado liberado em:** 00/00/0000

**Protocolo:** 00000000000000

REALIZADO POR  
INSIDE DIAGNÓSTICO S.A.



Laudo - Microbioma Feminino

**ÍNDICE:**

**1. Ficha Clínica**

**2. Resumo dos Resultados da Análise**

**2.1 Composição Geral da Microbiota Vaginal**

**2.1.1. Análise das Bactérias**

**2.1.2. Análise dos Fungos**

**3. Interpretação dos Resultados da Análise de Sequenciamento do Microbioma Vaginal - 16S + ITS**

**3.1. Análise Detalhada das Bactérias**

**3.2. Análise Detalhada dos Fungos**

**4. Metodologia**

**5. Controle de Qualidade**



## Nome do paciente:

Sexo do paciente:

Data de nascimento: 00/00/0000

Solicitante: Não informado

Unidade de análise: Inside Central

Tecnologia: Seq. de Nova Geração 16S + ITS

Material de coleta: Mucosa vaginal

Coleta realizada em: 00/00/0000

Amostra recebida em: 00/00/0000

Resultado liberado em: 00/00/0000

Protocolo: 00000000000000

REALIZADO POR  
INSIDE DIAGNÓSTICO S.A.



Laudo - Microbioma Feminino

## 2. RESUMO DOS RESULTADOS DA SUA ANÁLISE:

### 2.1. COMPOSIÇÃO GERAL DA MICROBIOTA VAGINAL:



#### 2.1.1. ANÁLISE DAS BACTÉRIAS – 98,8 %

\* **Bactérias patobiontes:** Espécie *Bacteroides dorei*

As bactérias patobiontes são aquelas com potencial de causarem algum distúrbio, caso sua abundância aumente na colonização da mucosa vaginal, sendo recomendado a observação de sinais e sintomas de desequilíbrio vaginal.

\* **Bactérias patogênicas:** Ausente / Representatividade baixa

As espécies patogênicas são bactérias que podem causar doenças e estão relacionadas com sintomas específicos.

#### 2.1.2. ANÁLISE DOS FUNGOS – 1,2 %

\* **Fungos patobiontes:** Ausente / Representatividade baixa

Os fungos patobiontes são aqueles com potencial de causarem algum distúrbio, caso sua abundância aumente na colonização da mucosa vaginal, sendo recomendado a observação de sinais e sintomas de desequilíbrio vaginal.

\* **Fungos patogênicos:** Ausente / Representatividade baixa

As espécies patogênicas são fungos que podem causar doenças e estão relacionadas com sintomas específicos.

Nome do paciente:

Sexo do paciente:

Data de nascimento: 00/00/0000

Solicitante: Não informado

Unidade de análise: Inside Central

Tecnologia: Seq. de Nova Geração 16S + ITS

Material de coleta: Mucosa vaginal

Coleta realizada em: 00/00/0000

Amostra recebida em: 00/00/0000

Resultado liberado em: 00/00/0000

Protocolo: 00000000000000

REALIZADO POR  
INSIDE DIAGNÓSTICO S.A.



Laudo - Microbioma Feminino

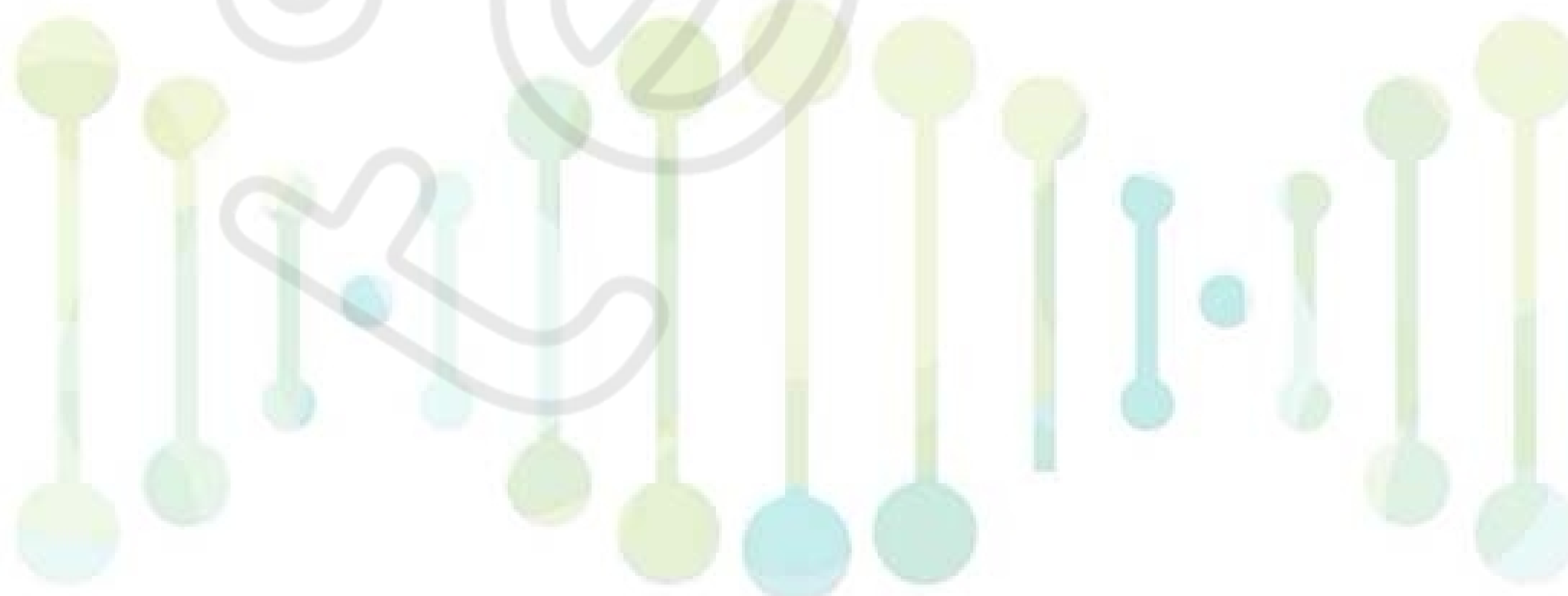
### 3. INTERPRETAÇÃO DOS RESULTADOS DA ANÁLISE DE SEQUENCIAMENTO DO MICROBIOMA VAGINAL - 16S + ITS:

Nosso corpo é um ecossistema que abriga trilhões de microrganismos vivos e essa convivência harmônica, nas quantidades adequadas, nos mantém saudáveis. O ecossistema da vagina é conhecido como microbioma vaginal, que em equilíbrio possibilita uma saúde íntima adequada.

#### 3.1. ANÁLISE DETALHADA DAS BACTÉRIAS:

\* Índice de Diversidade de Shannon: 3,43

Com o resultado do sequenciamento foi calculado o Índice de Diversidade de Shannon, que avalia a heterogeneidade da população bacteriana presente na microbiota vaginal. Até o momento não existem dados na literatura científica que determinam um valor de diversidade adequado para esta análise.





Nome do paciente:

Sexo do paciente:

Data de nascimento: 00/00/0000

Solicitante: Não informado

Unidade de análise: Inside Central

Tecnologia: Seq. de Nova Geração 16S + ITS

Material de coleta: Mucosa vaginal

Coleta realizada em: 00/00/0000

Amostra recebida em: 00/00/0000

Resultado liberado em: 00/00/0000

Protocolo: 00000000000000

REALIZADO POR  
INSIDE DIAGNÓSTICO S.A.



Laudo - Microbioma Feminino

## PERFIL DE DISTRIBUIÇÃO TAXONÔMICA:

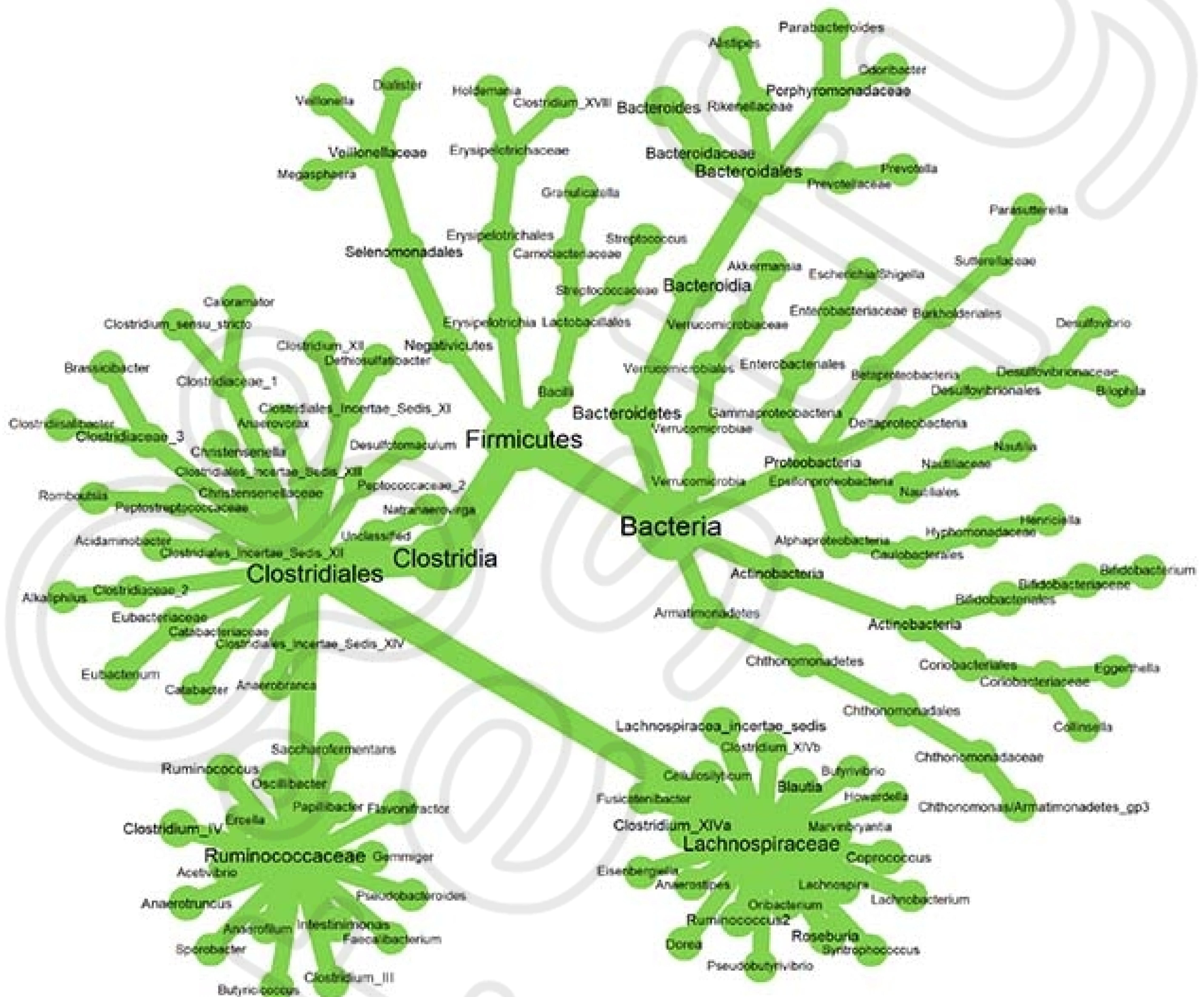


Gráfico do perfil de distribuição dos níveis taxonômicos (reino, filo, classe, ordem, família e gênero), na qual a espessura e o diâmetro de cada caule e nó no gráfico apresentam a proporção dos níveis taxonômicos em relação a representatividade total de bactérias sequenciadas.

**Nome do paciente:**

**Sexo do paciente:**

**Data de nascimento:** 00/00/0000

**Solicitante:** Não informado

**Unidade de análise:** Inside Central

**Tecnologia:** Seq. de Nova Geração 16S + ITS

**Material de coleta:** Mucosa vaginal

**Coleta realizada em:** 00/00/0000  
**Amostra recebida em:** 00/00/0000  
**Resultado liberado em:** 00/00/0000  
**Protocolo:** 00000000000000

REALIZADO POR  
INSIDE DIAGNÓSTICO S.A.

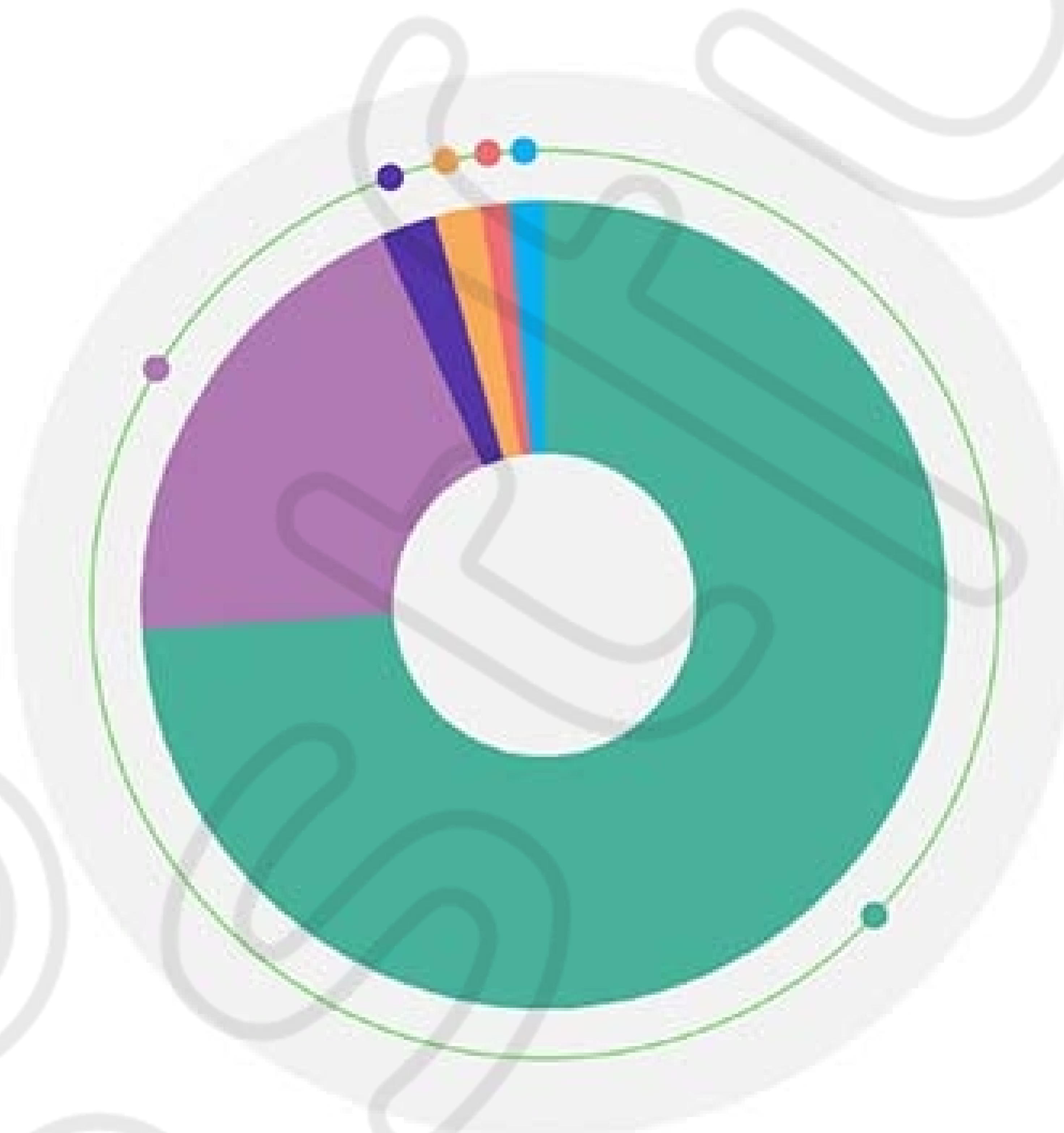


Laudo - Microbioma Feminino

## PROPORÇÃO DOS FILOS:

O Sequenciamento do Microbioma Vaginal detectou a presença dos filios:

- Firmicutes (74,02 %)
- Bacteroidetes (19,33 %)
- Verrucomicrobia (2,27 %)
- Proteobacteria (1,85 %)
- Actinobacteria (1,13 %)
- Outros (1,40 %)



Os filios com representatividade abaixo de 1 % no Sequenciamento de Nova Geração com análise Metagenômica estão descritos no gráfico na categoria "outros".



**Nome do paciente:**

Sexo do paciente:

Data de nascimento: 00/00/0000

Solicitante: Não informado

Unidade de análise: Inside Central

Tecnologia: Seq. de Nova Geração 16S + ITS

Material de coleta: Mucosa vaginal

Coleta realizada em: 00/00/0000

Amostra recebida em: 00/00/0000

Resultado liberado em: 00/00/0000

Protocolo: 00000000000000

REALIZADO POR  
INSIDE DIAGNÓSTICO S.A.

Laudo - Microbioma Feminino

**GÊNEROS MAIS PREVALENTES IDENTIFICADOS, INDEPENDENTE DO FILO:**

Microbiota	Porcentagem Identificada
Bacteroides	13,49 %
Lachnospiracea ( <i>incertae sedis</i> )	11,55 %
Faecalibacterium	7,86 %
Ruminococcus	5,47 %
Coprococcus	4,55 %
Clostridium XIVa	4,17 %
Intestinimonas	2,84 %

**ESPÉCIES MAIS PREVALENTES IDENTIFICADAS, INDEPENDENTE DO FILO:**

Microbiota	Porcentagem identificada
<i>Eubacterium eligens</i>	10,33 %
<i>Faecalibacterium prausnitzii</i>	7,86 %
<i>Bacteroides dorei</i>	7,31 %
<i>Coprococcus eutactus</i>	4,27 %
<i>Ruminococcus albus</i>	3,19 %
<i>Flintibacter butyricus</i>	2,66 %
<i>Gemmiger formicilis</i>	2,40 %
<i>Akkermansia muciniphila</i>	2,25 %
<i>Fusicatenibacter saccharivorans</i>	2,15 %
<i>Ruminococcus callidus</i>	2,09 %

**Nome do paciente:**

Sexo do paciente:

Data de nascimento: 00/00/0000

Solicitante: Não informado

Unidade de análise: Inside Central

Tecnologia: Seq. de Nova Geração 16S + ITS

Material de coleta: Mucosa vaginal

Coleta realizada em: 00/00/0000

Amostra recebida em: 00/00/0000

Resultado liberado em: 00/00/0000

Protocolo: 00000000000000

REALIZADO POR  
INSIDE DIAGNÓSTICO S.A.

Laudo - Microbioma Feminino

**ESPÉCIES MAIS RELEVANTES ENCONTRADAS EM CADA FILO:****FILO FIRMICUTES: 74,02 %**

O filo Firmicutes compreende 60 a 65 % da microbiota intestinal e, em sua maioria, bactérias Gram-positivas com paredes celulares contendo peptidoglicano. Entretanto esse filo inclui bactérias com diversas características que divergem deste padrão (PMID: 26269668).

**\* Foi identificada a espécie *Eubacterium eligens*: 10,33 %**

A *Eubacterium eligens* é uma bactéria encontrada no trato gastrointestinal de indivíduos saudáveis, principalmente indivíduos que apresentam dietas vegetarianas, e está relacionada com a fermentação de polissacarídeos, como a pectina (PMID: 27381339, 7782892).

**FILO VERRUCOMICROBIA: 2,27 %**

O filo Verrucomicrobia está presente em diversos habitats terrestres e aquáticos, além de ser encontrado microbiota de animais e na microbiota humana, com bactérias que contribuem para a degradação da mucina no intestino (PMID: 16704931).

**\* Foi identificada a espécie *Akkermansia muciniphila*: 2,25 %**

A *A. muciniphila* é uma bactéria comumente encontrada na microbiota intestinal e representa uma proporção de 0,5 a 5 % da microbiota total de indivíduos saudáveis (PMID: 15388697, 22437156). Esta espécie possui propriedades benéficas atuando na modulação do muco intestinal e na manutenção da integridade da parede celular intestinal, sendo associada a dietas ricas em prebióticos e baixa ingestão de ácidos graxos saturados (PMID: 30416539, 29018410).



**Nome do paciente:**

Sexo do paciente:

Data de nascimento: 00/00/0000

Solicitante: Não informado

Unidade de análise: Inside Central

Tecnologia: Seq. de Nova Geração 16S + ITS

Material de coleta: Mucosa vaginal

Coleta realizada em: 00/00/0000

Amostra recebida em: 00/00/0000

Resultado liberado em: 00/00/0000

Protocolo: 00000000000000

REALIZADO POR  
INSIDE DIAGNÓSTICO S.A.

Laudo - Microbioma Feminino

### 3.2. ANÁLISE DETALHADA DOS FUNGOS:

A identificação de fungos do microbioma vaginal é uma pesquisa nova e ainda pouco aprofundada. A literatura científica descreve algumas espécies de fungos como potenciais residentes vaginais e outras como oportunistas ou causadoras de doenças (PMID: 27657355).



#### GÊNEROS IDENTIFICADOS:

Microbiota	Porcentagem Identificada
Bacteroides	13,49 %
Lachnospiracea ( <i>incertae sedis</i> )	11,55 %
Faecalibacterium	7,86 %
Ruminococcus	5,47 %

#### ESPÉCIES IDENTIFICADAS:

Microbiota	Porcentagem identificada
<i>Candida albicans</i>	10,33 %
<i>Faecalibacterium prausnitzii</i>	7,86 %
<i>Bacteroides dorei</i>	7,31 %
<i>Coprococcus eutactus</i>	4,27 %

festas

Todos os direitos reservados. Proibida a reprodução total ou parcial.